



Od Redakcji	5
Prace przeglądowe	
Z. PRZYBECKI, M. E. PAWEŁKOWICZ, R. WÓYCICKI Sekwencjonowanie genomów i rozwój biotechnologii	9
M. KOTOWSKA, J. ZAKRZEWSKA-CZERWIŃSKA Kurs szybkiego czytania DNA – nowoczesne techniki sekwencjonowania	24
I. ŚLESAK, S. KARPIŃSKI Biologiczne bazy danych i ich zastosowanie w funkcjonalnej analizie porównawczej organizmów – wybrane zagadnienia	39
P. A. ZIÓŁKOWSKI, D. BABULA-SKOWROŃSKA, M. KACZMAREK, A. CIEŚLA, J. SADOWSKI Sekwencjonowanie porównawcze genomów: generowanie markerów genetycznych typu INDEL i SNP	53
R. GROMADKA Wykorzystanie sekwencjonowania nowej generacji do poznania genomu ziemniaka	69
J. K. NOWAK Sekwencjonowanie największego chromosomu <i>Paramecium tetraurelia</i> – przykład opracowania metody	76
P. MACKIEWICZ, P. GAGAT, A. BODYŁ Genomika protistów – bardzo zróżnicowanych, ale słabo poznanych eukariotów	91
D. MACKIEWICZ, W. WAGA, S. CEBRAT Ewolucja chromosomów eukariotycznych – od baz danych do modeli komputerowych i z powrotem	131
G. BARTOSZEWSKI, M. SZWACKA, M. CZARNY, K. NIEMIROWICZ-SZCZYTT, S. MALESZY Wybrane aspekty transformacji genetycznej ogórków, pomidora i papryki	146
Nowości	155



Editorial	5
------------------	---

Review Papers



Z. PRZYBECKI, M. E. PAWEŁKOWICZ, R. WÓYCICKI Genome sequencing and progress in biotechnology	9
M. KOTOWSKA, J. ZAKRZEWSKA-CZERWIŃSKA DNA speed reading course – high-throughput DNA sequencing technologies	24
I. ŚLESAK, S. KARPIŃSKI Biological databases and their application for functional comparative analysis of organisms – selected issues	39
P. A. ZIÓŁKOWSKI, D. BABULA-SKOWROŃSKA, M. KACZMAREK, A. CIEŚLA, J. SADOWSKI Comparative sequencing of genomes: generating of INDEL and SNP genetic markers	53
R. GROMADKA Application of next-generation sequencing method to decode potato genome	69
J. K. NOWAK Sequencing of the largest chromosome of <i>Paramecium tetraurelia</i>	76
P. MACKIEWICZ, P. GAGAT, A. BODYŁ Genomics of Protists – very diversified but poorly studied eukaryotes	91
D. MACKIEWICZ, W. WAGA, S. CEBRAT Evolution of eukaryotic chromosomes – from databases to computer modeling	131
G. BARTOSZEWSKI, M. SZWACKA, M. CZARNY, K. NIEMIROWICZ-SZCZYT, S. MALESZY Selected aspects of genetic transformation in cucumber, tomato, and sweet pepper	146

News	155
-----------------------	-----

